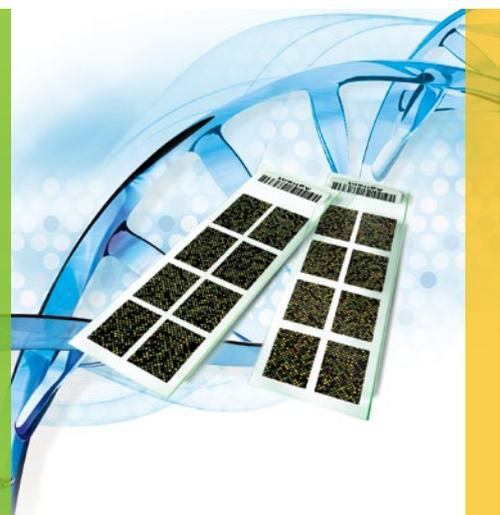


網羅的にコンテンツを搭載した

SurePrint G3

Human、Mouse、Rat
遺伝子発現マイクロアレイ



近年、様々な手法を用いてトランスクリプトームの新たな知見が得られ、公的データベースに反映されています。アジレントはこのようなデータベースに基づき、coding RNA および non coding RNA を網羅的に搭載した遺伝子発現 (GE) マイクロアレイを提供しております。

Superior Content

- **Human** : coding RNA、Broad Institute の LincRNA catalog と、LNCipedia に基づいた lncRNA も搭載
2020 年の情報に基づき coding RNA を更新した 4 x 44 K フォーマットも登場
- **Mouse** : RefSeq の coding RNA と non coding RNA に加え lncRNA も搭載
- **Rat** : RefSeq の coding RNA と non coding RNA を網羅的に搭載

Better Sensitivity

- 5 ケタに渡るダイナミックレンジ
- 最小 10 ng の total RNA から 8 サンプル同時に解析できる 8 x 60 K フォーマット (4 x 44 K フォーマットは最小 25 ng、4 サンプル同時解析)

Powerful Performance

- RNA-Seq や定量 PCR との高い相関
- ラベル化からデータ取得まで 1.5 日の簡便・迅速なプロトコル



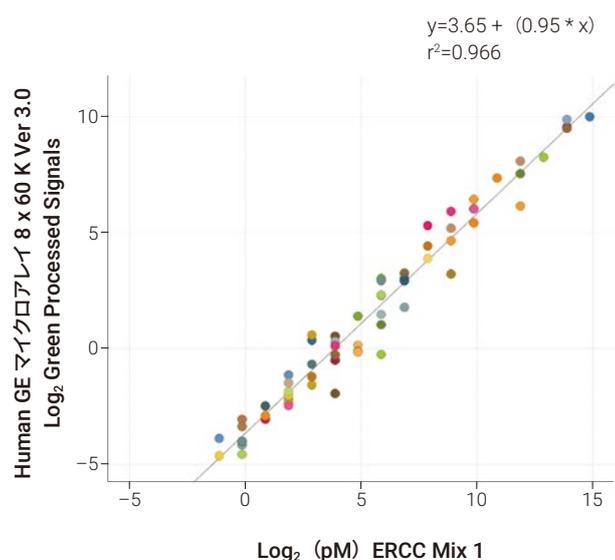
アジレント SureScan
マイクロアレイスキャナ



アジレントだからこそ実現した低発現遺伝子を含めた網羅的解析を、
遺伝子発現マイクロアレイでサポートします。

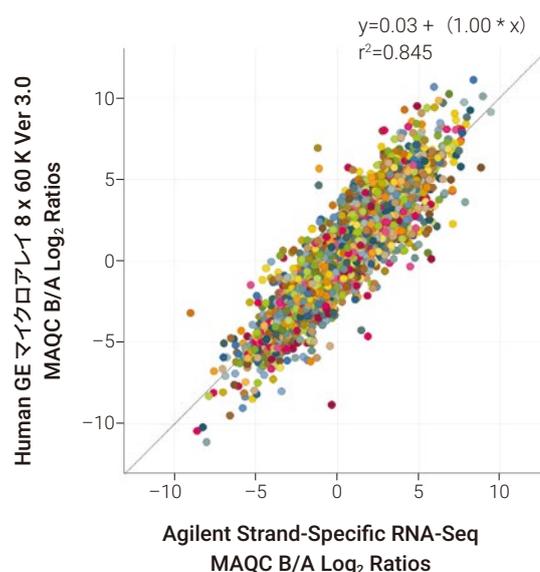
生物種	参照データベース	コンテンツ
 Human Refseq 2020 トランスクリプトームアレイ 4 x 44 K	<ul style="list-style-type: none"> • Refseq Release 109 (2020 年 10 月) 	ターゲットトランスクリプト : 75122 (重複含む) ターゲット遺伝子 : 27293 (重複含む)
	<ul style="list-style-type: none"> • RefSeq Build 66 • Unigene Build 236 • LNCipedia Version 2.1 • Broad Institute Human lincRNA catalog (Nov 2011) • Broad Institute TUCP transcripts catalog (Nov 2011) 	<ul style="list-style-type: none"> • Ensemble Release 76 • GenBank (Aug 2014) 26,083 Entrez Genes 30,606 lncRNAs
 Mouse GE マイクロアレイ 8 x 60 K Ver 2.0	<ul style="list-style-type: none"> • RefSeq Build 66 • Unigene Build 236 • RIKEN 3 	<ul style="list-style-type: none"> • Ensemble Release 76 • GenBank (Aug 2014) 27,122 Entrez Genes 4,578 lncRNAs
 Rat GE マイクロアレイ 8 x 60 K Ver 2.0	<ul style="list-style-type: none"> • RefSeq Build 66 • Unigene Build 236 	<ul style="list-style-type: none"> • Ensemble Release 76 • GenBank (Aug 2014) 30,584 Entrez Gene

5 ケタに渡るダイナミックレンジ



ERCC スパイクを total RNA に混合し取得したマイクロアレイデータ。横軸に ERCC の既知濃度、縦軸に Human GE マイクロアレイ 8 x 60 K Ver 3.0 に搭載の ERCC 対応プローブのシグナル強度をプロット。5 ケタに渡るダイナミックレンジで、低シグナルでも圧縮が小さく ($r=0.95$)、良好な相関が得られました ($r^2=0.966$)。

RNA-Seq データとも高い相関



Human GE マイクロアレイ 8 x 60 K Ver 3.0 および RNA-Seq で取得した Log_2 B/A の比較。それぞれのツールで検出され (アレイ: well above BG, RNA-seq: a minimum of 20 mapped reads)、発現差のある ($p < 0.5$) 12,383 Entrez genes をプロット。 $r^2=0.845$ と高い相関が得られました。

SurePrint G3 遺伝子発現 (GE) マイクロアレイ 製品情報

生物種	スライド入数	型番	品名
 Human	1	G2519F #86539	Human Refseq 2020 トランスクリプトームアレイ
	3	G4851C	SurePrint G3 Human GE マイクロアレイキット 8 x 60 K Ver 3.0
	1	G4858A#72363	SurePrint G3 Human GE マイクロアレイ 8 x 60 K Ver 3.0
 Mouse	3	G4852B	SurePrint G3 Mouse GE マイクロアレイキット 8 x 60 K Ver 2.0
	1	G4858A#74809	SurePrint G3 Mouse GE マイクロアレイ 8 x 60 K Ver 2.0
 Rat	1	G4858A#74036	SurePrint G3 Rat GE マイクロアレイ 8 x 60 K Ver 2.0

※バージョンの異なるアレイのデータを直接比較・解析することはできませんのでご注意ください。
 ※スライド入数が 1 枚の製品は、受注製造品となります。納期はお問い合わせください。

販売店

[お問い合わせ窓口]

アジレント・テクノロジー株式会社

本社 / 〒 192-8510 東京都八王子市高倉町 9-1

●カスタムコンタクトセンター ☎ 0120-477-111

mail : email_japan@agilent.com

※仕様は予告なく変更する場合があります。

※本資料掲載の製品はすべて試験研究用です。

診断目的にご利用いただくことはできません。

<http://www.agilent.com/chem/genomics:jp>

G220436

© Agilent Technologies, Inc. 2021

本書の一部または全部を画面による事前の許可なしに複製、
 改変、翻訳することは、著作権法で認められている場合を除き、
 法律で禁止されています。

Printed in Japan, Dec. 17, 2021

5994-4485JAJP