

Agilent Bio SAX カラムによる オリゴヌクレオチドの動的結合容量 および高分解能分析

著者

Jordy Hsiao、Matt Turner Agilent Technologies, Inc.

概要

この技術概要では、非多孔性アニオン交換(AEX)ケミストリをもとにした長さ 25 ~ 100 塩基のオリ ゴヌクレオチドの分離について紹介します。Agilent Bio SAX カラムが高分解能 LC-UV 分離にいかに 適しているかを実証します。

はじめに

Agilent Bio IEX カラムには、カラム効率を 高めながら非特異的結合を排除する親水性ポ リマー層でグラフトされた非多孔性ポリスチレ ンジビニルベンゼン (PS-DVB) 粒子が含ま れています。Bio SAX カラムは非多孔質粒子 を使用しているため、近接して溶出するオリゴ ヌクレオチド生成物や不純物に対して優れた 分解能を実現可能で、LC-UV 分析に特に適し ています。

アニオン交換クロマトグラフィーは、オリゴヌ クレオチドなどの生体分子の精製と分析的特 性解析の両方に使用できる汎用性の高い手法 です。¹核酸骨格で負に帯電したリン酸基が、 粒子上の正に帯電した官能基に引き付けられ ます。一般に、オリゴヌクレオチドの長さの増 加に伴い、結合強度は強くなります。そのため、 結合したオリゴヌクレオチドは、グラジエント の塩濃度が増加するにつれて長さの順序で溶 出されます。以前の研究で、SAXを使用した オリゴヌクレオチド分離に対する移動相組成と カラム温度の影響が調べられています。²本研 究では、動的結合容量(DBC)と、SAX クロ マトグラフィーを使用したオリゴヌクレオチド の分析的分離を検討します。

実験方法

試薬

- 試薬はすべて、HPLC グレード以上のもの を使用しました。
- Agilent RNA 分解能標準(部品番号 5190-9028)と Integrated DNA Technologies の粗製 DNA オリゴヌクレ オチドを使用しました。

装置構成

Agilent 1290 Infinity II Bio LC システムの構成:

- Agilent 1290 Infinity II ハイスピードポンプ (G7132A)
- Agilent 1290 Infinity II Bio マルチサンプラー (G7137A)、Agilent InfinityLab サンプル サーモスタット(オプション 101)付き
- Agilent 1290 Infinity II マルチカラムサー モスタット(G7116B)、バイオコンパチブル 熱交換器付き
- Agilent 1290 Infinity II ダイオードアレイ 検出器 (G7115A)、バイオイナートフロー セル (オプション 28) 付き

表 1. SAX クロマトグラフィー用の移動相の調製

サンプル前処理

オリゴヌクレオチドサンプルを移動相 A に溶解 し、NanoDrop 分光光度計を使用して最終濃 度を測定しました。サンプルは、溶出液 C とし て機器に設置しました。

HPLC メソッド

移動相の調製の概要を表1 に、結合容量の HPLC 条件の概要を表2 に、オリゴクリーン アップのグラジエントプロファイルの概要を 表3 に示します。本分析の HPLC 条件を表4 および5 に示します。

	100x 原液バッファ	移動相 A	移動相 B
10 mM トリス、pH 8.0	1 M トリス、pH 8.0、 HCl で調整	10 mL 原液バッファを 990 mL の水と混合	原液バッファ 10 mL を 116.88 g の NaCl (2 M) と混合し、水を 加えて 1 L にしました。

表 2. 結合容量の HPLC 条件

設定値
- Agilent Bio SAX カラム、NP1.7、4.6 × 50 mm (p/n 5190-2461) - Agilent Bio SAX カラム、NP5、4.6 × 50 mm (p/n 5190-2468) - Agilent Bio SAX カラム、NP10、4.6 × 50 mm (p/n 5190-2476)
溶出液 A:水中 10 mM トリス、pH 8.0 溶出液 B:溶媒 A 中 2 M NaCl 溶出液 C:オリゴヌクレオチド溶液
0.5 mL/分
25 °C
270/4 nm (リファレンス 360/20 nm) ピーク幅 > 0.025 分(10 Hz)
NA
NA

表 3. オリゴクリーンアップのグラ ジエントプロファイル

時間(分)	% A	%B
0	100	0
2	0	100
10	0	100
10.1	100	0
20	100	0

表 4. RNA 標準、25 mer および 50 mer オリゴ、 カラムコンパートメント温度 80 ℃ の分析に用い たグラジエントプロファイル

時間(分)	% A	%B
0	100	0
1	100	0
2	80	20
4	80	20
14	60	40
15	100	0
20	100	0

表 5.75 mer および 100 mer オリゴ、カラムコン パートメント温度 80 ℃ の分析に用いたグラジ エントプロファイル

時間(分)	% A	% B
0	100	0
1	100	0
2	70	30
4	70	30
14	50	50
15	100	0
20	100	0

シーケンス

- オリゴクリーンアップのグラジエント (20分)
- 2. オリゴ結合(流出まで 100% C)
- オリゴクリーンアップのグラジエント (20分)×2

結果と考察

異なる粒子サイズ (1.7、5、10 μm) を充填 した Bio SAX カラムの結合容量について調 べました。4 つの異なるサイズのオリゴヌクレ オチドを使用して、長さに基づいて広範なオリ ゴヌクレオチドクラスの結合容量を表しました (表 6)。

最初にカラムの代わりにユニオンを使用して、 装置のデッドボリュームを決定しました。機器 を 100% の溶出液 A でコンディショニングし、 その後 100% の溶出液 C に切り替えました。 オリゴヌクレオチド溶液が 270 nm で検出さ れるまでに要した時間を、システムのデッドボ リュームとして記録し、各カラムの分析値から 差し引きました (図 1A ~ 1C)。測定は 25% のフルスケール屈折量で行いました。

DBC を実施する前に、各カラムで 20 分間の クリーンアップグラジエントを実施しました。 オリゴヌクレオチド溶液がカラムを飽和させ たのを検出した時点で、動的結合を測定しま した。次いで、クリーンアップグラジエントを 2 回繰り返して各カラムを洗浄し、残っている 結合オリゴヌクレオチドを除去しました。

Bio SAX カラムは非多孔質粒子を使用してい るため、充填カラムの粒子サイズが大きくなれ ば、総固定相表面積が減少します。したがって、 1.7 μm の Bio SAX 粒子は、5 および 10 μm の



図 1. さまざまなサイズの Agilent Bio SAX カラムを使用した 50 mer オリゴヌクレオチドの流出: (A) 1.7 µm、 (B) 5 µm、 (C) 10 µm。

表	6.	本検討	に用	いた	オリコ	ゴヌク	'レオ	チ	۴
---	----	-----	----	----	-----	-----	-----	---	---

25 mer	CATATAAGTTGCGTTACTTCGGCCT
50 mer	CCTAACCGCACCCTTAGCACGAAGA CAGATTCGTTCTTACCCATACTCCA
75 mer	CCGTTGGCAGGGGGATCGCATGTCC CACGTGAAACATTGCTAAACCCTCA GGTCTCTGAGCGACAAAAGCTTTAA
100 mer	AGGGAAATTCGCGCCCATAACTTGGT CCGAATACGGGTTCTTGCATCGTTC GACTGAGTTTGTTTTATATAAAACGGGCGCAATGTCTGCTTTGATCAAC

Bio SAX 粒子と比較して DBC が高いと予想 されます。予想どおり、1.7 µm 粒子の結合容 量が最も高く、10 µm 粒子の結合容量が最も 低い結果となりました(図 2)。興味深いこと に、各粒子サイズの結合容量は、テストを行っ たオリゴヌクレオチドの長さとは無関係でした (図 2)。

オリゴヌクレオチドの分析的分離を図3に示 します。領域の拡大図を同時に示しています が、未精製サンプル内に存在する不純物の 多くを分離するカラムの能力を示しています。









さらに、20 mer および 21 mer オリゴヌクレ オチドを含む RNA 標準を使用した Bio SAX カラムによる n - 1 オリゴヌクレオチドのベー スライン分離を示しています(図 4)。

結論

Agilent Bio SAX 非多孔質材料は、特にイオン ペア逆相(IP-RP)クロマトグラフィーで使用 されるような揮発性バッファーを避ける必要 がある場合に、オリゴヌクレオチド分離に最適 です。これは、最終オリゴヌクレオチド分離に最適 です。これは、最終オリゴヌクレオチド生成物 のLC-UV分析および不純物プロファイリング を実行する場合に魅力的です。ユーザーにとっ ては最終的に、クロマトグラフィーによる分離 と方法論がユーザーの純度基準を満たしてい ることを確認するために、個々のターゲット 生体分子ごとに、より広範なテストとバリデー ションを実施することが重要です。

参考文献

- Cook, K.; Thayer, J. Advantages of Ion-Exchange Chromatography for Oligonucleotide Analysis. Bioanalysis 2011, 3(10), 1109-1120.
- Hsiao, J.; Apffel, A.; Turner, M. Optimizing Separation of Oligonucleotides with Anion-Exchange Chromatography. Agilent Technologies application note, publication number 5994-4753EN, 2022.

ホームページ

www.agilent.com/chem/jp

カストマコンタクトセンタ

0120-477-111 email_japan@agilent.com

本製品は一般的な実験用途での使用を想定しており、 医薬品医療機器等法に基づく登録を行っておりません。 本文書に記載の情報、説明、製品仕様等は予告なしに 変更されることがあります。

DE50136108

アジレント・テクノロジー株式会社 © Agilent Technologies, Inc. 2022 Printed in Japan, July 22, 2022 5994-5109JAJP



図4. Agilent Bio SAX 5 µm カラムを使用した RNA 標準の分析的分離(A)と領域の拡大図(B)。

