

Agilent InfinityLab オンライン LC ソリューションによる オンライン反応モニタリング

反応速度が pH 値に依存するアスピリンの加水分解



著者

Edgar Naegele Daniel Kutscher Agilent Technologies, Inc.

概要

本アプリケーションノートでは、Agilent InfinityLab オンライン LC ソリューションを用いた低分子反応 のオンラインモニタリングを実証します。高精度のサンプリングは、反応容器中の反応の定量モニタリン グ、および抽出物と生成物の濃度の正確な測定を実現します。InfinityLab オンライン LC モニタリング ソリューションでは、注入前のサンプリングや希釈/クエンチングおよび高速化のための直接注入が可能 です。これらの性能による反応モニタリングの最適化について紹介します。

はじめに

低分子医薬品およびバイオ医薬品の最新の製 造工程では、例えば、オンラインでの反応モニ タリング分析によって、反応を厳密にモニタリ ングする必要があり、可能な場合には制御も 必要とされます。そのため、サンプリングデバ イスを用いて UHPLC 機器を反応槽に接続す ることが有用です。InfinityLab オンライン LC ソリューションは、UHPLC を、Agilent 1260 Infinity II オンラインサンプルマネージャによ る自動反応サンプル分析用の統合型リアクタ サンプリングインタフェースと組み合わせて提 供します。このデバイスでは、リアクタからサン プルを吸引し、注入前に希釈/クエンチングす ることができます。

本アプリケーションノートでは、反応速度 が異なる反応をモニタリングするための InfinityLab オンライン LC ソリューションの使 用を紹介します。ここでは、サンプリングおよ びクエンチングのための高速サンプリング速 度、結果を最速で得るための直接注入が必要 です。モデル反応として、アセチルサリチル酸 (アスピリン)からサルチル酸への pH 依存の 加水分解を取り上げます。

実験方法

機器

- Agilent 1290 Infinity II ハイスピード ポンプ (G7120A)
- Agilent 1260 Infinity II オンライン サンプルマネージャセット(G3167AA):
 Agilent 1290 Infinity バルブドライブ (G1170A)に取り付けられた外部バルブ (5067-6680)と組み合わせた Agilent 1260 Infinity II オンラインサンプル マネージャ(G3167A)と Agilent オンライン LC モニタリングソフトウェア
- Agilent 1260 Infinity II マルチカラム サーモスタット (G7116A)
- Agilent 1260 Infinity II ダイオードアレイ 検出器(G7115A)

機器のセットアップ (図1)

Agilent InfinityLab オンライン LC ソリュー ションは Agilent 1260 Infinity II オンライン サンプルマネージャを特徴としています。この ソリューションモジュールは、Agilent 1260 Infinity II マルチサンプラのハウジングをベー スとしていますが、2個の高度に同期したバル ブ(モジュール内に1個と外に1個)などア ジレント独自の新しいテクノロジーを使用して います。¹ 特別な切り替えモードを持つ新たに 開発されたバルブコンセプトにより、アジレン トの Feed 注入と従来型のフロースルー注入 を可能しています。ポートおよび溝は、反応容 器に対して直接的に吸引や注入ができ、注入 前に希釈やクエンチングなどのサンプル処理 ができるよう設計されています。1260 オンラ インサンプルマネージャは別に独立したポンプ ユニット経由で反応容器に接続され、リアクタ からの溶媒ストリームを提供します。ディレイ ボリュームを最少にするために、リアクタは内 径 0.8 mm の PTFE チューブでポンプヘッド に直接接続されています。サンプリングおよび 注入プロセス全体が、Agilent OpenLab CDS にシームレスに統合された専用の Agilent オ ンライン LC モニタリングソフトウェアによって 制御されます。

Agilent オンライン LC モニタリング ソフトウェアの設定

オンライン LC モニタリングソフトウェアに は、Configuration (設 定)、Experiment Setup (実験の設定)、Experiment Run (実 験の実行)の3つのセクションがあります。 Configuration(設定)では、接続された CDS および機器を選択して表示できます。 Experiment Setup (実験の設定)では、分 析メソッドに、サンプルのハンドリング、スケ ジューリング、限界値を組み合わせます(図 2)。限界値として、反応化合物の面積パーセ ント率、濃度、補正済み濃度のいずれかを使 用できます。反応の途中に限界値と交差する と、警告が表示されます。Experiment Run (実験の実行) セクションでは、サンプリング、 キャリブレーション、品質管理、ブランク用の バイアルを選択して、実験を開始できます。実 験の結果もこのセクションに表示されます。

Experiment Setup(実験の設定)の Samples(サンプル)タブでは、サンプリング メソッドと分析メソッドを選択して組み合わせ ることができます(図3)。さらに、再キャリブ レーション、QCサンプル、ブランクなどのコ ントロールを設定できます。直接注入の設定 では、サンプルソースがリアクタストリームか



図 1. サンプリングポンプおよびリアクタを含む代表的な機器構成の概略図。 リアクタとポンプの接続:内径 0.8 mm の PTFE チューブ (p/n 5041-2191)、フェラル (p/n 5022-2154)、 PTFE ナット (p/n 5022-2158)。ポンプとサンプリングインタフェースの接続:SST キャピラリー、 内径 0.17 mm、長さ 900 mm (p/n 5500-1217) サンプリングインタフェースとリアクタの接続: 内径 0.8 mm の PTFE チューブ、フィッティング、フェラル (p/n 5065-4454) らまたはバイアルからのいずれかを選択でき、 分析設定と組み合わせることができます(図 3A)。バイアルへのリアクタストリームから のサンプリングの設定では、希釈係数および ターゲットボリュームを設定でき、必要なサン プルの量が自動的に計算されます(図 3B)。 希釈済み/クエンチング済みのサンプルは、後 で分析するために保持されるか、または分析 メソッドと組み合わせて直ちに分析されます。 Pure to vial (そのままバイアルへ)設定では、 分析する場合もしない場合もそれぞれに応じ て、バイアルへの未希釈のリアクタストリーム サンプルのサンプリングを可能にします。

Schedule (スケジュール) タブには分析終了 時にシャットダウンなどの選択済みのルール に基づいたイベントが表示され、時間ベース のモニタリングイベントをテーブルに設定でき ます (図 4)。Time based (時間ベース)の 設定セクションでは、直接注入、バイアルサン プリング、QC サンプル、ブランク、再キャリブ レーションのような事前に設定していた実験 を選択できます。各行に、開始時間が間隔お よびカウント数とともに表示されます。終了時 間は自動的に計算されます。プレビューには、 時間ベースのイベントがすべてリスト表示さ れ、時間の重なりがないかチェックできます。

Limits (限界値) タブでは、濃度の上限値お よび下限値または面積パーセント率を設定で きます。限界値に達すると、メッセージが結果 に表示されます(結果と考察のセクションの Experimental Run (実験の実行)の項目を 参照)。

ソフトウェア

- Agilent OpenLab CDS 2.6 以降の バージョン
- Agilent オンライン LC モニタリング
 ソフトウェア、バージョン 1.0.1

カラム

Agilent ZORBAX RRHD Eclipse Plus C18、 2.1 × 50 mm、1.8 µm(部品番号 959757-902)

Experiment Setup «	Overview	Name Aspirin_Hydr	olyse_direct-1	Version 8	Description			
Selected Setup	-	System	·	Samples	∕∎	Schedule	\rightarrow -	Limits
▲ Filter Setups	Analytical I	nstrument	実験設定用	同のタブ			Conditioning	
Hidden	Instrument Nam Project Name	e Online LC MS OnlineLC-MS					Shutdown meth	od v
Filtered Setups 🚡 🗄	Definition of me	thod sets					য়ি Sleen / Wa	ke-un +
b Tests Aspirin_Hydrolyse_direct-1_2021-03-08-23-08:01-08:00 *	Name MethodSet 1	Pre-run Method	Acquisition Method	Processing Method Sampl Asp-Sal-1.pmx *	e Prep Method Post	run Method	g step/ th	inc up
			ロードされた	-メソッド設?	Ê		ルールに基	づいた動作
Experiment Run Experiment Setup 設定セクション Configuration	<					>	<	

図 2. Agilent オンライン LC モニタリングソフトウェアの Experiment Setup (実験の設定) でのシステム設定の 表示。メソッドを選択してメソッドセットと組み合わせることができます。ルールに基づいた動作、サンプル前処理 メソッドを定義できます。

System			Samples
Sampling and Analysis			
Samples			
Direct injection	+	Name DirectInje	ectionSetting 01
DirectInjectionSetting 01	Ū	Sampling source	● Reactor ○ Vial
当 Diluted to vial	+	Injection volume	1 µl
		Sampling speed	1 ·
☆ Pure to vial	+		Wait time after draw: 1.2 s
Controls		Method Set	MethodSet 1 🔹
Blank Sample	+	注入ソース、注	主入量、
		分析メソッドと	この組み合わせの
le de sample	Ŧ	選択	
Recalibration	+		
System		Samples	
System Sampling and Analysis Samples		Samples	关即反数
Sampling and Analysis Samples Direct injection	+ Name [Samples	希釈係数、
System Sampling and Analysis Samples Direct Injection Direct Injection Direct Injection	+ Name C + Samplir Target volu	Samples	 希釈係数、 ターゲット量、 分析メソッドと、
System Sampling and Analysis Samples	+ Name Samplir Target volu Sampling w	Samples SilutedToVialSetting 01 NB me S00 µl slume S0 µl	 希釈係数、 ターゲット量、 分析メソッドと、 組み合わせの3
Sampling and Analysis Samples	+ Name C + Samplin Target volu Sampling v + Sampling s	Samples	 希釈係数、 ターゲット量、 分析メソッドと、 組み合わせのジョック
System Sampling and Analysis Samples	+ Name C Samplin Target volu Sampling v Sampling v Diutroo far	Samples NutredTovialSetting 01 N8 me 500 µl baced 1. Ourse reset: 119 v Use reset: 110 v U	 希釈係数、 ターゲット量、 分析メソッドとは 組み合わせのジ 2.1 Creat
System Sampling and Analysis Samples	+ Name (* Sampling w * Sampling w * Sampling w * Dilution sol	Samples	 希釈係数、 ターゲット量、 分析メソッドと 組み合わせのジョ 121
System Sampling and Analysis Samples	+ Name * Sampling w * Sampling w * Dilution spi + Dilution spi	Samples winserflow/utsetting 01 0 ng 0 0 skinee 50 µl 1 base 50 µl 0 base 10 20 ml 0 base 10 20 ml 0 base 10 20 ml 0	 希釈係数、 ターゲット量、 分析メソッドとは 組み合わせのジ a
System Sampling and Analysis Samples	+ Name C Samplin Target volu Sampling s + Ohkton sol Ohkton sol + Ohkton sol	Samples InductorWalketing OI I B B C S D C S C S C S C S C S C S C S C S C	 希釈係数、 ターゲット量、 分析メソッドとは 組み合わせのジョ a тук.

図 3. A) リアクタストリームまたはバイアルからの直接注入の設定。B) 注入ありまたは注入なしの場合の リアクタストリームサンプルの希釈/クエンチングのための設定



図 4. Experiment Setup (実験の設定) の Schedule (スケジュール) タブ。複数の組み合わせでタイムベース イベントを設定できます。プレビューを使用してタイミングの重なりを特定して解決できます。

サンプルおよびキャリブレーションの ための希釈

- 抽出物:アセチルサリチル酸、生成物:
 サリチル酸
- 1g/Lアセチルサリチル酸と1g/L
 サリチル酸の原液:それぞれ100 mg を
 10 mLのエタノール(EtOH)液に溶解し、
 水を入れて100 mLにしたもの
- 希釈系列:1000、200、100、20、10 mg/L

サンプル送液ポンプ

- ポンプ: Agilent 1260 Infinity II
 アイソクラティックポンプ(G7110B)
- 流量:5mL/min
- 反応容器からオンラインサンプル
 マネージャリアクタインタフェースへ、
 そして反応容器へ戻る溶媒ストリーム
 (機器のセットアップの項目も参照)

オンライン LC モニタリングソフトウェア での実験の設定

- 直接注入
 - リアクタからの直接サンプリング:
 1 µL(メソッドによる)
 - サンプリング速度の設定:1
 - スケジュール:間隔:2分、分析時間
 90分
- バイアルでの希釈
 - 希釈係数:1:10、希釈溶媒(S2):
 水+10%ACN+0.1%FA
 - ターゲットボリューム: 500 µL
 サンプルの量: 50 µL
 - サンプリング速度の設定:1
 - 希釈液排出スピード:
 10,000 μL/min
 - Agilent InfinityLab ディープウェル プレート、31 mm、1 mL (部品番号 5042-6454)、サンプル用
 - Agilent InfinityLab シリコン
 シーリングマット、ウェルプレート用 (部品番号 5043-9317)
 - スケジュール:間隔:5分、分析時間 180分

OpenLab CDS 2.6 でのクロマトグラフィーメソッド

パラメータ	設定値
流量	A) 水 + 0.1 % FA、 B) ACN + 0.1 % FA、 0.7 mL/min
イソクラティック条件	35 % B、ストップタイム 1.0 分
注入量	1 µL
ニードル洗浄	3 s、洗浄溶媒(S1):水 + 50 % ACN + 0.1 % FA
フィード注入	フィード速度:流量の 80 % を適用 オーバーフィード容量:注入容量を基に自動計算 オーバーフィード溶媒(S2):水 + 10 % ACN + 0.1 % FA
カラム温度	45 °C
DAD	230/4 nm、リファレンス 360/100 nm、データレート 20 Hz

OpenLab CDS データ解析のデータ処理メソッド

パラメータ 設定値								
積分								
0.001 分でオフ、0.55 分でオン、0.95 分でオフ								
面積リジェクト	15.00							
高さリジェクト	1.70							
ピーク幅	0.02							
面積 % リジェクト	0.00							
スロープ感度	5.0							
ショルダーモード	ショルダーモード オフ							
	同定							
アセチルサリチル酸	シグナル DAD1A、RT 0.638 分、ウィンドウ 0.1 分							
サリチル酸	シグナル DAD1A、RT 0.797 分、 ウィンドウ 0.1 分							
	キャリブレーション							
濃度単位	mg/L							
応答	面積							
重み付け	なし							
カーブモデル 直線、原点無視								
物質量レベル 1,000、200、100、20、10 mg/L								

反応の設定

選択した pH 値になるように、10 mL EtOH 溶液中の 100 mg アスピリンを 90 mL のグ リシンバッファに、マグネティック棒で強く攪拌 しながらシリンジを用いて非常に高速で加え ました。

試薬

アセチルサリチル酸、サリチル酸、グリシン、 NaCl、NaOH、HCl、EtOH

バッファ

 溶液
 1) 0.1 M グリシン + 0.1 M NaCl の 1 L 水溶液
 2) 0.1 M NaOH

- pH 11:52 mL の溶液 1 + 48 mL の
 溶液 2
- pH12:45 mLの溶液1+55 mLの 溶液2
- pH を 0.1 M NaOH または 0.1 M HCl の いずれかで調整

溶媒と試薬

- すべての溶媒はドイツの Merck 社から 購入しました。
- 試薬はドイツの VWR 社から購入しました。
- 超純水は、LC-Pak Polisher および
 0.22 µm メンブレンフィルターカートリッジ
 (Millipak 社)を備えた Milli-Q Integral
 システムで精製しました。

結果と考察

モデル反応として、アセチルサリチル酸(アス ピリン)の加水分解を選んで、1260 Infinity II オンラインサンプルマネージャとオンライ ン LC モニタリングソフトウェアで構成される InfinityLab オンライン LC ソリューションの性 能を実証しました(図 5)。反応の速度は、加 水分解するために適用されるバッファ溶液の pH 値に影響されます。このモデル反応を使用 して、サンプリング、サンプルハンドリング、速 度のさまざまな機能を実証できます。

実験の前に、アセチルサリチル酸およびサリチ ル酸を高速分離するためのメソッドを開発し ました(実験を参照)。このメソッドと2種類 の化合物のキャリブレーションを使用して、化 学反応の過程を定量するためのデータ処理メ ソッドを作成しました(図6)。



図5.アセチルサリチル酸(アスピリン)のサリチル酸および酢酸への加水分解



図 6. データ処理メソッド作成のためのアセチルサリチル酸および サリチル酸のキャリブレーション。

(A) アセチルサリチル酸とサリチル酸の高速分離と積分範囲(200 mg/L)。

(B) アセチルサリチル酸(アスピリン)の検量線、R²:0.99998。
 (C) サリチル酸の検量線、R²:0.99999

pH 11 でのアセチルサリチル酸の 加水分解

実験をセットアップするために、pH 11 のグリ シンバッファ 90 mL をフラスコに充填して攪 拌し続けながら、10 mL エタノール溶液中の アセチルサリチル酸 100 mg をすばやく加え ました。フラスコをポンプに接続して、反応溶 液の連続的なストリームをオンラインサンプル マネージャのリアクタインタフェースに高流量 で提供しました。実験を開始する前に、サンプ リングの位置を定義しておくことが必要です。 QC、ブランク、キャリブラントなどのためのそ の他の位置も必要に応じて定義できます(図 7)。オンライン LC モニタリングソフトウェアか ら実験を開始した後、サンプルが 5 分ごとに 吸引され希釈され、続いて分析されました。 個々のサンプルの最新ステータスがすべての 情報とともに Execution (実行) タブのテーブ ルに表示されます (図 8)。実験の進行中、こ のテーブルにステータス情報がリアルタイムで 入力されます。この画面では、サンプル、メソッ ド、スケジュールを変え、その場で実験を変更 することもできます。図 8 に示すように、アセ チルサリチル酸のピークが低下し、データ処理 メソッドの面積リジェクトの限界値未満に減少 したため、データは取り込み後にも再処理さ れました。



図 7. 選択済みのサンプリング位置を示す実験の準備画面。QC、ブランク、キャリブラントのための必要な位置も この画面で定義できます。

		Prepar	ation	>	8		Execution					Result	
Status													
Experim Schedul	e [0 pending	art Time 20 2 ; analytical jobs	21-03-24 13:30:02+0]	l: <mark>00</mark> Run Ti	me 02:59	:25							
Sta	te	Туре	Name	Expected Time	Start Time	Info		Sample	Location	Sampling Time	Absolute Sampling Time	Injection Time	Analytical Method Set
0	Completed	Action	Start		00:00:00								^
0	Reprocessed	Diluted to vial	DilutedToVialSetting 01	00:00:00	00:00:00			Sample-1	D1B-A1	00:00:31	2021-03-24 13:30:34+01:00	00:03:11	MethodSet 1
0	Reprocessed	Diluted to vial	DilutedToVialSetting 01	00:05:00	00:05:00			Sample-2	D1B-A2	00:05:01	2021-03-24 13:35:04+01:00	00:07:39	MethodSet 1
0	Reprocessed	Diluted to vial	DilutedToVialSetting 01	00:10:00	00:10:00			Sample-3	D18-A3	00:10:08	2021-03-24 13:40:11+01:00	00:12:48	MethodSet 1
0	Reprocessed	Diluted to vial	DilutedToVialSetting 01	00:15:00	00:15:00			Sample-4	D18-A4	00:15:08	2021-03-24 13:45:11+01:00	00:17:48	MethodSet 1
0	Reprocessed	Diluted to vial	DilutedToVialSetting 01	00:20:00	00:20:00			Sample-5	D18-A5	00:20:08	2021-03-24 13:50:11+01:00	00:22:49	MethodSet 1
0	Reprocessed	Diluted to vial	DilutedToVialSetting 01	00:25:00	00:25:00			Sample-6	D18-A6	00:25:08	2021-03-24 13:55:11+01:00	00:27:48	MethodSet 1
0	Reprocessed	Diluted to vial	DilutedToVialSetting 01	00:30:00	00:30:00			Sample-7	D18-A7	00:30:08	2021-03-24 14:00:11+01:00	00:32:48	MethodSet 1
0	Reprocessed	Diluted to vial	DilutedToVialSetting 01	00:35:00	00:35:00			Sample-8	D18-A8	00:35:08	2021-03-24 14:05:11+01:00	00:37:48	MethodSet 1
0	Reprocessed	Diluted to vial	DilutedToVialSetting 01	00:40:00	00:40:00			Sample-9	D18-A9	00:40:08	2021-03-24 14:10:11+01:00	00:42:48	MethodSet 1
0	Reprocessed	Diluted to vial	DilutedToVialSetting 01	00:45:00	00:45:00			Sample-10	D18-A10	00:45:08	2021-03-24 14:15:11+01:00	00:47:50	MethodSet 1



分析中、処理結果は、オンライン LC モニタリ ングソフトウェアのトレンドプロットのように、 Result (結果) タブのデータ視覚化ツール内 でリアルタイムで監視できます。最終結果は、 Experiment Run (実験の実行) タブに表示 することも可能です(図9)。相互に関連付け られたグラフとテーブルが表示されます。設定 可能なテーブルには、反応過程の選択された サンプルの結果がまとめて示されます。テーブ ルには、例えば、リテンションタイム、ピーク 面積、面積パーセント率、濃度、またはサンプ リング希釈を考慮した補正済み濃度が表示さ れます(図 9A)。限界値を超えた場合や限界 値に届かない場合はマークが付けられます。 減少する抽出物と増加する生成物のクロマト グラムを重ねて表示できます(図 9B)。

図 9 で選択した各サンプルから、約 45 分後 となるサンプル 10 では反応物の濃度が等し くなり、145 分後にはアセチルサリチル酸の 濃度は最初の 10 % 未満となることが分かり ます。

Α

	Method Set	Compound	Signal	Signal		Height	Area%	Corr. concentration	Area	Concentration
MethodSet 1		• <all></all>	DAD1A	٠						
Ľ	MethodSet 1	Aspirin	DAD1A		0.626	282.416	100.000	986.814 mg/L	350.428	98.681 mg/L
2	MethodSet 1	Aspirin	DAD1A		0,625	255.079	89.820	897.320 mg/L	319.337	89.732 mg/L
2	MethodSet 1	Salicylic acid	DAD1A		0.778	18.309	10.180	103.216 mg/L	36.194	10.322 mg/L
Ľ	MethodSet 1	Aspirin	DAD1A		0.627	116.590	49.319	402.762 mg/L	147.524	40.276 mg/L
2	MethodSet 1	Salicylic acid	DAD1A		0.780	94.393	50.681	440.494 mg/L	151.596	44.049 mg/L
2	MethodSet 1	Aspirin	DAD1A		0.624	20.257	9.101	48.239 mg/L	24.361	4.824 mg/L
Ľ	MethodSet 1	Salicylic acid	DAD1A		0.777	151.258	90.899	708.503 mg/L	243.297	70.850 mg/L
		Method Set MethodSet 1 MethodSet 1 MethodSet 1 MethodSet 1 MethodSet 1 MethodSet 1 MethodSet 1 MethodSet 1 MethodSet 1 MethodSet 1	Method Set Compound MethodSet1 < ALD	Method Set Compound Signal MethodSet1 	Method Set Compound Signal MethodSet1 	Method Set Compound Signal RT (min) Methodset1 < <all> DADIA Methodset1 < <all> DADIA Methodset1 Aspirin DADIA Methodset1 Aspirin DADIA Methodset1 Aspirin DADIA Methodset1 Salicylic acid DADIA Methodset1 Salicylic acid DADIA Methodset1 Salicylic acid DADIA Methodset1 Salicylic acid DADIA Methodset1 Salicylic acid DADIA Methodset1 Salicylic acid DADIA Methodset1 Salicylic acid DADIA</all></all>	Method Set Compound Signal RT (min) Height MethodSet1 < <all> DADIA • P P P MethodSet1 < Aspirin</all>	Method Set Compound Signal RT (min) Height Ara% MethodSet1 < <all> DADIA</all>	Method Set Compound Signal RT (min) Height Area% Corr. concentration MethodSet1 Applin DADIA DADIA MethodSet1 Aspirin DADIA MethodSet1 Aspirin DADIA MethodSet1 Aspirin DADIA 0.625 282.416 100.000 986.814 mg/L MethodSet1 Aspirin DADIA 0.778 18.309 10.30 103.216 mg/L MethodSet1 Aspirin DADIA 0.627 116.590 49.319 402.762 mg/L MethodSet1 Salicylic acid DADIA 0.627 116.590 49.319 402.762 mg/L MethodSet1 Aspirin DADIA 0.624 20.57 9.101 48.239 mg/L MethodSet1 Salicylic acid DADIA 0.777 15.25 9.899 70.80.30 mg/L 	Method Set Compound Signal RT (min) Height Area% Corr. concentration Area MethodSet1 Appirin DADIA MethodSet1 Aspirin DADIA MethodSet1 MethodSet1 Aspirin DADIA MethodSet1 A





図9. Result (結果) タブに表示された実験の最終結果の視覚化。(A) 強調表示された反応データポイントの リテンションタイム、ピーク高、面積、面積パーセント率、濃度、補正済み濃度を示す結果のテーブル。 (B) 0.626 分のアセチルサリチル酸の下降するピークおよび 0.777 分のサリチル酸の上昇するピーク 図 9B の結果テーブルでワンクリックでショー トカットすることにより、OpenLab CDS デー タ解析に表示されるデータに直接アクセスす ることができます(図 10)。図 10 のサンプル 1 は反応の開始ポイントを示し、反応のター ンオーバーが始まったばかりで反応の生成物 は検出下限未満です。反応容器中のアセチル サリチル酸の初期濃度は 986.8 mg/L でし た。5 分の反応時間の後に吸引したサンプル 2 には反応生成物がすでに見られ、反応容器 中でサリチル酸は 103.3 mg/L (10.18 面積 %) で存在します。45 分後に吸引したサンプ ル 10 では、アセチルサリチル酸とサリチル酸 の濃度およびピーク面積パーセント率がほぼ 等しいことが分かります。145 分後に吸引し たサンプリングポイント 30 で、アセチルサリ チル酸の面積パーセント率が定義した限界値 10 % 未満となったために、初めてフラグが付 けられます。OpenLab CDS データ解析のデー タにアクセスして、データ解析メソッドを変更 することも可能です。例えば、積分限界値を 変更して、反応の開始時の初期に形成される 生成物の不純物など、より低いアバンダンス のピークを検出することができます。オンライ ン LC モニタリングソフトウェアの内蔵の再処 理機能により、実験を継続して実行させなが ら、生成済みデータに新しいメソッドを適用す ることも可能です。



図 10. Agilent OpenLab CDS データ解析に表示された個々の分析のデータ (サンプル 1) 抽出物のみを示す、反応開始時に吸引された最初のサンプル。 (サンプル 2) 反応の生成物を示し始める、5 分後に吸引された 2 番目のサンプル。(サンプル 10) ピーク面積と濃度がほぼ等しいことを示す、反応開始後 45 分に吸引された サンプル。(サンプル 30) 抽出物の濃度が定義した限界値の 10 面積 % を下回ったために初めてフラグが付けられたサンプル オンラインサンプルマネージャでは、希釈用お よびクエンチング用に加え、ニードル洗浄用 や流路洗浄用のさまざまな溶媒を適用できま す。このため、クエンチング溶媒で希釈するこ とによってサンプリング後に反応を止めること ができます。この例では、水 + 10 % ACN + 0.1 % ギ酸で希釈し、反応を減速させました(図 11)。1:10 希釈/クエンチングでは 24 時間後 にアセチルサリチル酸のピークが低くなりサリ チル酸のピークが高くなって、アスピリンの分 解はわずかです。このため、実験後に解析し たり、他の分析技法を用いた品質管理を追加 したりできます。

pH 12 でのアセチルサリチル酸の 加水分解

高速反応に対応可能なオンライン LC の機能 を示すために、pH 値を 12 に上げてアセチル サリチル酸の加水分解反応の速度を上げまし た。高速反応のモニタリングの場合、サンプル は機械的な動作なしに、リアクタ接続バルブ の切り替えだけで、リアクタストリームから直 接吸引されてニードルに注入されました。選 択したメソッド設定では、1 分のクロマトグラ フィー分析とすべての他の処理とを合わせて、 1 データポイントあたり2分のサイクル時間を 可能にしました。結果のトレンドプロット(図 12A) は 2 分ごとのサンプルデータポイントを 示します。アセチルサリチル酸の下降するピー ク面積曲線とサリチル酸の上昇するピーク面 積曲線は、ほぼ等しい面積パーセント率と濃 度で20分後に交差しています。78分後、反 応はほぼ完了し、抽出物は設定した限界値の 10 面積%を下回ります。結果のテーブル(図 12B) に、リテンションタイム、ピーク面積、 ピークの高さ、面積パーセント率、濃度など の詳細が示されています。クロマトグラム(図 12C) には、0.772 分にあるサリチル酸のピー クの増大と 0.622 分にあるアセチルサリチル







図12. Result (結果) タブに表示された高速反応速度での実験の結果の視覚化。

- (A) 反応物質のアセチルサリチル酸とサリチル酸のピーク面積のトレンドプロット。
- (B) 強調表示された反応データポイントの面積、面積パーセント率、濃度を示す結果テーブル。

(C) 0.622 分のアセチルサリチル酸の下降するピークおよび 0.772 分のサリチル酸の上昇するピーク

酸のピークの減少が重ね表示されています。 最初に反応が非常に高速に開始し、結果とし て最初の吸引サンプルにも生成物が形成され ています(図12B)。反応中に、生成物の形 成と抽出物の変換は減速していきます。これ は、追加のタイムベースイベントの導入によ り、サンプリング頻度を低減することで検討で きます(図4)。例えば、サンプリング間隔を 30分までは2分、60分までは6分、残りの 反応時間は10分に設定するなどです。このよ うに、反応の開始段階では要求されるより速 いサンプリング速度で、反応ターンオーバーが 進むとより遅いサンプリング速度で、反応を柔 軟に追跡できます。

結論

本アプリケーションノートでは、Agilent 1260 Infinity II オンラインサンプルマネージャと Agilent オンライン LC モニタリングソフトウェ アで構成される Agilent InfinityLab オンライ ン LC ソリューションを使用して、非常に高速 な反応(例えば、低分子の合成)をモニタリ ングする方法を示しました。

反応サンプルは、リアクタストリームから直接 吸引し、希釈またはクエンチングして反応を停 止させ、直ちにまたは後で分析することができ ます。

非常に高速な反応に対処するために、リアク タストリームから吸引した後にサンプルを直 接注入することも可能です。この場合、高速 反応をモニタリングするためにサイクル時間 を非常に短くできます。高精度のサンプルの 吸引および希釈/クエンチングにより、反応容 器に固有の反応物の正確な定量が実現し、価 値ある生成物の収量を最適化できます。

参考文献

 Performance Characteristics of the Agilent 1260 Infinity II Online Sample Manager. Agilent Technologies technical overview, publication number 5994-3529.

ホームページ

www.agilent.com/chem/jp

カストマコンタクトセンタ

0120-477-111 email_japan@agilent.com

本製品は一般的な実験用途での使用を想定しており、 医薬品医療機器等法に基づく登録を行っておりません。 本文書に記載の情報、説明、製品仕様等は予告なしに 変更されることがあります。

アジレント・テクノロジー株式会社 © Agilent Technologies, Inc. 2021 Printed in Japan, June 18, 2021 5994-3528JAJP DE44320.1899305556

