

カスタムアレイ作成 —miRNA

カスタムアレイを作成するにあたって
カスタムアレイの流れ

プローブグループ作成法の選択

1. プローブ検索
2. プローブグループ作成
3. プローブグループの確認

アレイデザインの作成



Agilent Technologies

eArray

カスタムアレイを作成するにあたって

- ・System Requirement(別紙)をご確認のうえ、eArrayをご利用ください。
- ・アジレントの標準ラベル化プロトコルが適用不可な場合等の記載がありますので、”**Custom Design Guidance**”を必ずご一読ください。
アプリケーションタイプを選択後、”Design Wizard”内にリンクがあります。
- ・[Info](#)をクリックすると、各機能の簡単な説明が別ウィンドウで現れます。
より詳しい機能説明はHelpを参照してください。

The screenshot shows the Agilent Technologies eArray web interface. The top navigation bar includes 'Help', 'Release Notes', and 'Log out'. Below it are tabs for 'Workspace', 'Collaboration', and 'Public'. A secondary navigation bar contains 'Home', 'Microarray', 'Probe Group', 'Probe', 'My Functions', 'My Account', 'Site Maintenance', and 'Data'. A search section has radio buttons for 'Microarray', 'Probe Group', and 'Probe'. The 'Design Wizards' section features a button for 'Create a Microarray Design from Existing Probe Group(s) Info' and a highlighted 'Custom Design Guidance' button. A callout box points to the 'Info' link, showing a window with 'Group(s) Info'.

- ・情報の取り扱い等に関する記載がありますので、使用規約をご一読ください。
eArrayログイン後は、画面下方の[eArray Terms of Use](#)をクリックするとご覧いただけます。

カスタムアレイ作成の流れ

Step1.

最初にカスタムアレイに搭載するプローブを選択し、**プローブグループとして保存**します。プローブグループとは、1つ以上のプローブで構成されるまとまりです。

Step2.

Step1.で保存した**プローブグループを指定**してカスタムアレイをデザインします。複数のプローブグループを指定することもできます。カスタムアレイのデザイン作成が終了したら、デザインの確定(Submit)を行います。



カスタムアレイ作成の流れ

Step1. Probe Groupの作成

条件を設定して検索したプローブをグループ化します。



Step2. アレイデザインの作成(p.19以降)

フォーマットを選択し(8x15K・8x60K)、
Step1で作成したプローブグループを指定します。

※複数のProbe Groupを指定できます。

プローブグループ作成法の選択 — miRNA



miRNAのカスタムアレイを
作成したい！

Yes

プローブ配列を
新たに設計したい
※次ページ参照

No

別紙参照

Yes

既存のプローブを
使用したい
※次ページ参照

No

Yes

現在のeArrayは
対応していません

プローブの検索(本資料)

アジレントカタログアレイに搭載のプローブを含む、
miRBaseに登録されているmiRNAに
対応したプローブの検索を行います



Agilent Technologies

eArray

現在のeArrayでできること・できないこと — miRNA

既存のプローブを使用とは...

eArrayには、miRBaseに登録されているmatureなmiRNAに対してアジレントが設計したプローブのデータベースがあります。2012年1月現在最新バージョンであるmiRBase 18.0には168の生物種(ウイルスを含む)のmiRNAの登録があり、その全てに対してプローブが設計済みですので、そのデータベースから必要なものを選ぶだけでカスタムアレイを作成することができます。

ただし、生物種によってはアジレントの標準ラベル化プロトコルが適用不可な場合等がありますので、eArray上で**Custom Design Guidance**を必ずご一読ください。

プローブ配列を新たに設計とは...

miRBaseの登録以外のmiRNAに対して、その配列をアップロードして独自にプローブの配列を設計することはできません。まだmiRBaseに登録されていないmiRNA、また登録されているmiRNAのVariantなどに対応するプローブを新たに作成することができません。



Order	Species	Count
Primates		
--- Alacidae		
---	Ateles geoffroyi	(63)
---	Lepothrix lapotrucha	(45)
--- Cebidae		
---	Sapinus labiatus	(42)
--- Cercopithecoidea		
---	Macaca mulatta	(MIMUL1.0) (455)
---	Macaca nemestrina	(75)
---	Pygathrix bieti	(11)
--- Hominoidea		
---	Gorilla gorilla	(55)
---	Homo sapiens	(GRCh37) (542)
---	Pan paniscus	(55)
---	Pan troglodytes	(PanTro2.1) (555)
---	Pongo pygmaeus	(PPYG2) (555)
---	Symphalangus syndactylus	(11)
--- Lemnidae		
---	Lemur catta	(15)
--- Prosimians		
---	Ornithorhynchus anatinus	(ORANA2) (225)
--- Rodentia		
---	Cricetulus griseus	(11)
---	Mus musculus	(NCBIM37) (552)
---	Rattus norvegicus	(RGD02.4) (225)



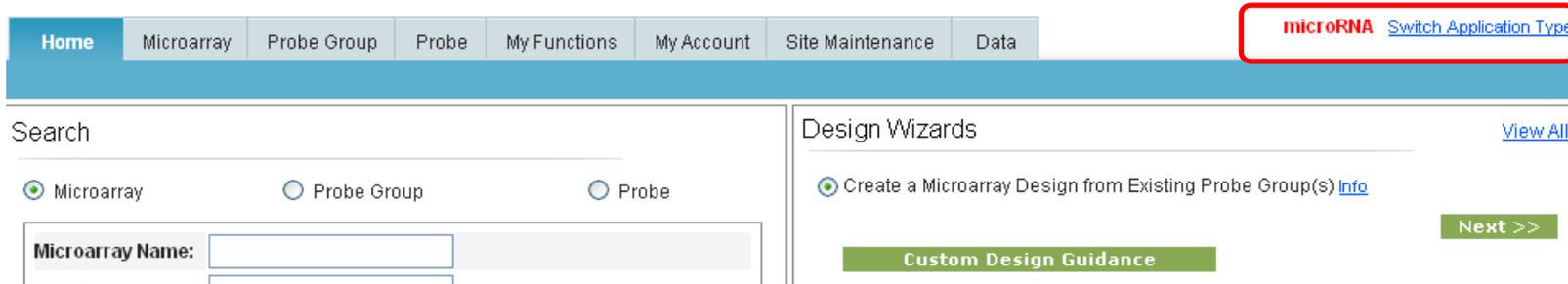
Agilent Technologies

eArray

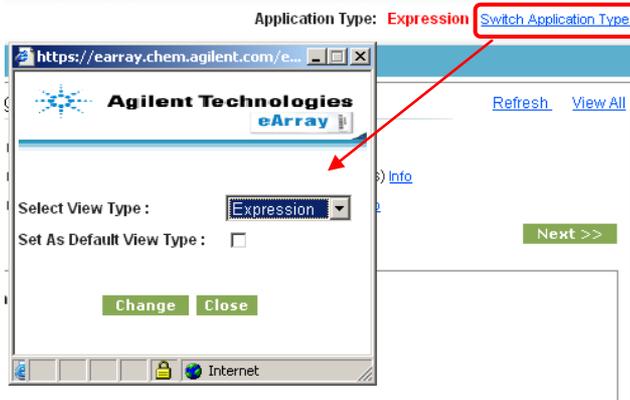
1-1.アプリケーションタイプの設定

プローブの検索を開始します。

1. eArrayのログイン後画面の右上で、Application TypeをmicroRNAと設定します。



2. 異なるアプリケーションの場合は、Switch Application Typeをクリックし、microRNAに変更します。



- ・ microRNAを選びChangeをクリック
- ・ Set As Default View Typeにチェックを入れ、Saveをクリックするとログイン時のアプリケーションとして選択されます。

1-2. "Search Standard Probes" ①

"Probes"タブをクリックします(選択された項目は、白抜き文字になります)。Search Standard Probesにチェックが入っていることを確認します。

The screenshot shows the Agilent eArray website navigation bar with 'Probe' highlighted. Below it, the 'Search Standard Probes' section is active. The search form contains the following fields and options:

- Search Type:** All (dropdown), Exact Search
- Search Term(s):** (text input)
- Species:** H. sapiens (dropdown), * Include subfolders
- Used in Array Designs:** (text input), [Select and Add](#)
- Used in Probe Groups:** (text input), [Select and Add](#)
- miRBase Version:** 18.0 (dropdown), *
- Folder:** AgilentCatalog (dropdown), * Include subfolders
- Include * Sequence:** Include * Sequence

Buttons: [Search](#), [Reset](#)

この画面では以下の項目を入力します。各項目の設定については次ページ以降をご覧ください。

Search type: 検索する項目をプルダウンから選択してください。

Search Term(s): 検索内容を入力します。

Species: プルダウンメニューから必ず選択してください。

Used in Array Designs/Used in Probe Groups: 検索するアレイデザインやプローブグループを限定する場合は指定します。

miRBase version : 検索対象とするmiRBaseのバージョンを選択して下さい。

Folder: 検索するフォルダを指定します。カタログアレイに搭載されているプローブを検索する場合はAgilentCatalogを選んでください。

Include *Sequence: “スター”配列を含める場合はチェックを入れます



Agilent Technologies

eArray

1-2.”Search Standard Probes” ②—”Search Type”の選択

Search Typeをプルダウンから選択します。

The screenshot shows the Agilent eArray search interface. The 'Search Standard Probes' section is active. The 'Search Type' dropdown menu is highlighted with a red box, showing the following options: All, ProbeID, miMAT#, microRNA Name, ChromosomalLocation, and ProbeSequence. Other search parameters include 'Exact Search' (unchecked), 'Folder' (AgilentCatalog), 'Include subfolders' (checked), 'Used in Probe Groups' (empty), 'Include * Sequence' (checked), and 'miRBase Version' (empty). There are 'Search' and 'Reset' buttons at the bottom of the search form.

All: 以下の項目いずれかに、入力したTermが合致するものを検索します。

部分一致を含める場合は、Exact Searchからチェックを外します。

ProbeID: アジレントがプローブの配列に対して付けたID 例(A_25_P00010775)

miMAT#: miRBaseのmature miRNAのAccession 例(MIMAT0000253)

microRNA Name: miRNAの名前 例(has-miR-10)

ChromosomalLocation: ゲノム上の位置 例(chr6:98472407-98472497)

ProbeSequence: プローブの配列 例(TAACCGATTTTCAGATGGTGC)

1-2."Search Standard Probes" ③—"Search Term"の入力

絞り込みを行いたい場合は、次ページ以降の方法で検索条件をSearch Termに入力します。
「ある生物種のあるmiRBaseバージョンに含まれるmiRNA全て」を検索したい場合は、
以下のようにSearch Term(s)は空欄のまま、Search TypeもAllのままで検索します。

Home Microarray Probe Group **Probe** My Functions My Account Data Primers microRNA [Switch Application Type](#)

Search

Search Standard Probes

Search Type: All Exact Search

Search Term(s):

Species [Info](#): H. sapiens *

Used in Array Designs: [Select and Add](#)

miRBase Version: 18.0 *

Folder [Info](#): AgilentCatalog * Include subfolders

Used in Probe Groups [Info](#): [Select and Add](#)

Include * Sequence [Info](#): Include * Sequence

Search Results: 1887 matching results found

[Create Probe Group](#)

[Download](#)

[Array Calculator](#)

[Order Primers](#)

Pages [[\(1\)First](#)] [1](#) [2](#) [3](#) [4](#) [5](#) [[Next >>](#)] [[Last \(38\)](#)]

Select Entire Result

<input type="checkbox"/>	microRNA Name ▲	Species	miMAT#	Probe ID	Chromosomal Location
					chr9:096938298-096938315, chr9:096938298-096938315, chr22:046508683-046508700, chr22:046508683-046508700

1-2.”Search Standard Probes” ④—”Search Term”入力法

絞り込みを行いたい場合は、検索条件をSearch Termに入力します。

・空欄への入力

Search Term(s)に検索条件を**半角文字**を用いて入力します。

複数の検索条件を入力する場合は

A_16_P35089808|A_14_P116727のように、間に”|”を入力してください。

Search Type:	ProbeID	<input checked="" type="checkbox"/> Exact Search
Search Term(s):	A_16_P35089808 A_14_P	Upload

・空欄への入力 一括検索の場合

あらかじめ検索条件リスト(テキストファイル)を作成し、一括検索することもできます。検索条件が多数ある場合に便利です。

テキストファイルの作り方

- ・リストは**タブ区切りのテキスト形式**で準備してください。
- ・エクセルを使う場合は、Windows OSにインストールされているExcel 2003以降を使用し、テキスト形式で保存してください。
- ・タイトル行をいれず、一行目から検索条件にしてください。

ProbeIDの例

```
A_23_P116898
A_23_P31798
A_23_P96761
A_23_P65022
```

Chromosomal Locationの例

```
chr1:1400-10000
chr5:500-20000
chr3:1-3000
chr20:234-4600
```

ファイル名には半角英数字のみを使い、日本語を含まないフォルダに保存してください。

例:Cドライブ>eArray

1-2. "Search Standard Probes" ⑤—"Search Term"入力法

・空欄への入力 一括検索の場合(続き)

1. "Search Term(s)"欄の横にある
"Upload"をクリックします。

Search Type:	ProbeID	<input checked="" type="checkbox"/> Exact Search
Search Term(s):		Upload

2. "Browse"(あるいは"参照")をクリックし、リスト化したテキストファイルを指定
します。"Upload File"をクリックします。

テキストファイルは、名前に全角を含めないフォルダに
保存をしてください。

C:以下に全角が含まれると、認識されません。

https://earray.chem.agilent.com - Ag

Please Enter the Following Details

File Name C:\Documents and Sett...

3. "Search Term(s)"欄に自動的に
反映されます。

Search Type:	ProbeID	<input checked="" type="checkbox"/> Exact Search
Search Term(s):	A_24_P66027IA_32_P771	Upload

※図はProbe IDで検索する場合です。
他のSearch Typeでも入力法は同じです。

1-2."Search Standard Probes" ⑥—"miRBase Version"選択

検索対象とするmiRBaseのバージョンをプルダウンから選択します

Home Microarray Probe Group **Probe** My Functions My Account Site Maintenance Data microRNA [Switch](#)

Search

Search Your Probes

Search Type: Exact Search Folder [Info](#) : * Include subfold

Search Term(s): [Upload](#)

Species [Info](#) : * Used in Probe Groups [Info](#) : [Select and Add](#)

Used in Array Designs: [Select and Add](#) Include * Sequence [Info](#) : Include * Sequence

miRBase Version: *

[Array Contact/Support](#) [eA](#)

Copyright Agilent Technologies, Inc. 2002-2010

※ miRBaseのバージョンにつきましては下記ウェブサイトをご覧ください。

<http://www.mirbase.org/>

※ 過去のmiRBaseバージョンを選択した場合、より新しいバージョンに引継がれなかったmiRNAのみが抽出されます。

※ miRBaseのバージョンアップに伴いmiRNAの配列が変更されたりデータベースから削除されたりするmiRNAがあります。それらをターゲットとしてデザインされたプローブは、Annotationの末尾にプローブがデザインされた当時のデータベースのバージョンが付加されます。例(miR-hsa-###_v9.1)

1-2.”Search Standard Probes”

全ての検索条件を入力し終わったら、Searchをクリックし検索を開始します。

Home Microarray Probe Group **Probe** My Functions My Account Site Maintenance Data microRNA [Switch Application Type](#)

Search

Search Your Probes

Search Type: Exact Search

Search Term(s): [Upload](#) Folder Info: * Include subfolders

Species Info: * Used in Probe Groups Info: [Select and Add](#)

Used in Array Designs: [Select and Add](#) Include * Sequence Info: Include * Sequence

miRBase Version: *

Search Results: 848 matching results found

[Download](#) [Create Probe Group](#) [Array Calculator](#) Pages [(1)First] 1 2 3 4 5 [Next >>] [Last (17)]

Select Entire Result

<input type="checkbox"/>	microRNA Name ▲	Species	miMAT#	Probe ID	Chromosomal Location
<input type="checkbox"/>	mir hsa-let-7a	H. sapiens	MIMAT0000062	A_25_P00010086	chr9:096938247-096938265,chr11:122017255-122017237,chr22:046508635-046508653
<input type="checkbox"/>				A_25_P00014594	chr9:096938245-096938265,chr11:122017255-

検索結果が表示されるまでeArrayからログアウトしないでください。
検索内容やご利用環境によって、結果が得られるまで時間がかかります。

検索結果が表示されたら、プローブグループの作成に進んでください。

2.プローブグループの作成①

1.Searchをクリックした後、しばらくすると結果が表示されます(検索数やご使用環境により、検索に必要な時間は異なります)。グループ化するプローブを選択し、“Create Probe Group”をクリックします。

検索されたすべてのプローブを選択するには、“Select Entire Result”にチェックを入れます。個々にプローブを選択する場合は、各プローブの左にあるチェックボックスにチェックを入れます。

Home Microarray Probe Group **Probe** My Functions My Account Site Maintenance Data

Search

Search Your Probes

Search Type: All Exact Search Folder [Info](#): Agilent

Search Term(s):

Species [Info](#): H. sapiens * Used in Probe Groups [Info](#):

Used in Array Designs: [Select and Add](#) Include * Sequence [Info](#): Incl

miRBase Version: 14.0 *

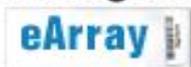
Search Results: 887 matching results found

① Select Entire Result

<input type="checkbox"/>	microRNA Name ▲	Species	miMAT#	Probe ID
<input type="checkbox"/>	mir1hsa-let-7a	H. sapiens	MMAT0000062	A_25_P00010086 A_25_P00011584



Agilent Technologies



2. プローブグループの作成②

2. プローブグループ名を入力し、“Save Probe Group”をクリックします。必要に応じて、StatusやFolderの選択、DescriptionあるいはKeywordを入力します。StatusのIncompleteはプローブの追加・削除が可能な状態、Lockedは不可能な状態を示します。Incompleteでもカスタムアレイデザインに搭載することができます。

Home | Microarray | **Probe Group** | Probe | My Functions | My Account | Site Maintenance | Data micrc

Search | [Browse Probe Groups](#)

Create **Probe Group**

Probe Group Name	<input type="text"/>	Created Date	04/14/2010
Status Info	<input checked="" type="radio"/> Incomplete <input type="radio"/> Locked	Description Info	<input type="text"/>
Created by	YAYOI FUKUOKA	Keyword Info	<input type="text"/>
Folder Info	LSCA_JapanSupport	No. of Probes	2446
		Search Criteria Info	Click Here

Search Results: 887 matching results found

Pages [[\(1\)First](#)] 1 2 3 4

<input type="checkbox"/>	microRNA Name	Species	miMAT#	Probe ID	Chromosomal
--------------------------	---------------	---------	--------	----------	-------------

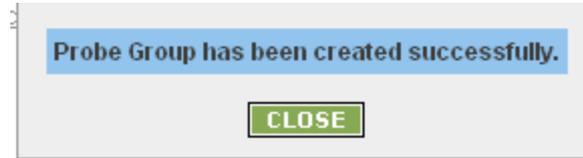


Agilent Technologies

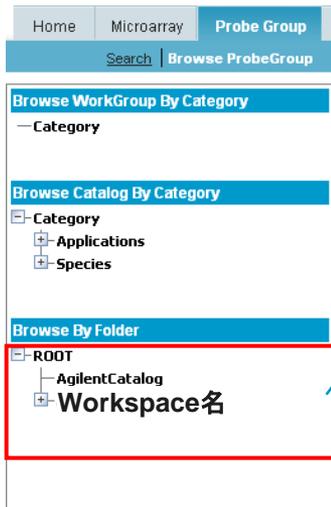
eArray

2. プローブグループの作成③

3. 下記画面が出たら、“Close”をクリックします。



作成したプローブグループはWorkspaceに保存されます。
Probe Groupタブで、“Browse ProbeGroup”を選択すると、確認できます。



2. で指定したフォルダを選択すると、フォルダ内に格納されている
プローブグループが表示されます。

* デザイン途中で6ヶ月経ったもの、あるいはデザイン終了後6ヶ月間オーダーされなかった
デザインは自動的にProbe Groupごと削除されますのでご注意ください。

3. プローブグループの確認

“Actions”欄内の、青いリンクをクリックすると各種操作ができます。

Copy: プローブグループを複製し、同じ内容のプローブグループを作ります。

Edit: プローブの削除、プローブグループ名の変更等ができます。

(StatusをLockの場合、表示されません)。

View: プローブグループの内容を閲覧します。

Delete: プローブグループを削除します。

Home | Microarray | **Probe Group** | Probes | My Account | Site Maintenance

Application Type: CGH [Switch Application Type](#)

Search | Browse ProbeGroup

Browse WorkGroup By Category

– Category

Browse Catalog By Category

– Category

- Applications
- Species

Browse By Folder

- ROOT
 - Workspace名
 - AgilentCatalog

View Probe Group

Status:

Search Results: 2 matching results found

<input type="checkbox"/>	Probe Group Name	No. of Probes	High Density	Folder	Status	Created Date	Actions
<input type="checkbox"/>	AllDemo_Rat	99328	true	LSCA_JapanSupportSpace	Incomplete	12-Feb-2008	Copy Edit View Delete Download
<input type="checkbox"/>	test	14680	true	LSCA_JapanSupportSpace	Incomplete	12-Feb-2008	Copy Edit View Delete Download

Probe Groupの作成が終了したら、Step2.フォーマットの選択/デザインの確定を行ってください。

カスタムアレイ作成の流れ

Step1. Probe Groupの作成

条件を設定して検索したプローブをグループ化します。



Step2. アレイデザインの作成

フォーマットを選択し(8x15K・8x60K)、

Step1で作成したプローブグループを指定します。

※複数のProbe Groupを指定できます。

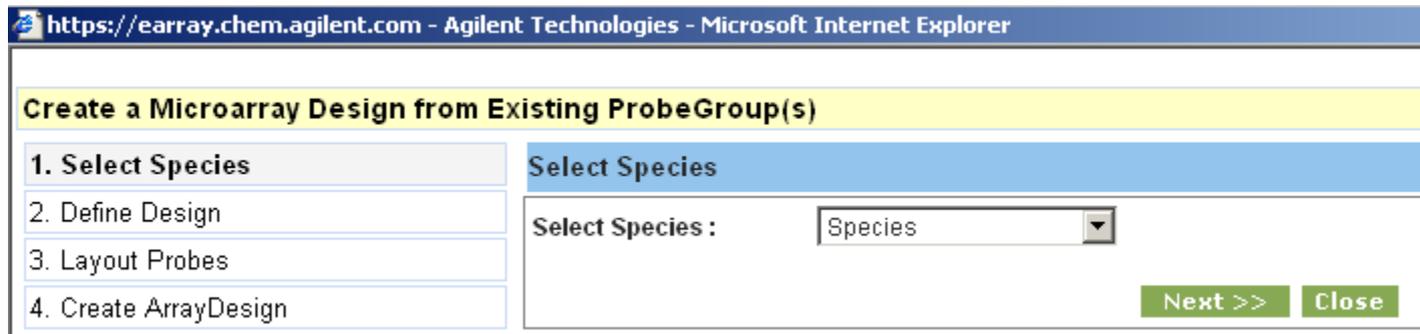
Step2_カスタムアレイデザインの作成

1. eArrayのログイン画面の右上で、作成したいマイクロアレイのアプリケーション(miRNA)を確認します。
2. "Home"タブの"Design Wizards"内で
"Custom Design Guidance"をクリックし、Agilentの推奨条件をご確認ください。
3. "Create a Microarray Design from Existing ProbeGroup(s)"にチェックが入った状態で"Next"をクリックします。

The screenshot shows the Agilent eArray web interface. At the top, there is a navigation bar with tabs: Home, Microarray, Probe Group, Probe, My Functions, My Account, Data, and Primers. On the right, it says "microRNA Switch Application Type". Below the navigation bar is a "Releases & Announcements" section. The main content area is divided into two panels. The left panel is titled "Search" and has radio buttons for "Microarray", "Probe Group", "Probe", and "Primers". It contains input fields for "Microarray Name:", "Species Info:" (with a "Select and Add" link), and "Design ID:" (with an "Upload" link). There are "Search" and "Reset" buttons at the bottom. The right panel is titled "Design Wizards" and has a "View All" link. It shows a radio button selected for "Create a Microarray Design from Existing Probe Group(s)" with an "Info" link. Below this, the "Custom Design Guidance" button is highlighted with a red rectangular box. To the right of this panel, the "Next >>" button is circled in red.

4. 別ウィンドウで表示された項目を順次選択していきます。

はじめに生物種を選択します。該当する生物種がない場合は、Naを選んでください。”Next”をクリックします。



https://earray.chem.agilent.com - Agilent Technologies - Microsoft Internet Explorer

Create a Microarray Design from Existing ProbeGroup(s)

1. Select Species
2. Define Design
3. Layout Probes
4. Create ArrayDesign

Select Species

Select Species : Species

Next >> Close

左の欄に、必要なステップおよび現在のステップが示されます。

5. "Microarray Name"を記入し(半角)、“Design Format”をプルダウンから選択します。“Next”をクリックします。
必要に応じてFolderの選択を行います。

Create a Microarray Design from Existing Probe Group(s)

1. Select Species Info	Design Details		
2. Define Design	Microarray Name: <input type="text" value="Test"/>		
3. Layout Probes	Folder: <input type="text" value="Agilent"/>	Species Info : <input type="text" value="H. sapiens"/>	
4. Create Microarray Design	Design Format: <input type="text" value="8 x 60 K"/>	Show Details	Control Grid: IS-62976-8-V2_60Kx8_miR_CPD_20101013_10
	<p>When using 8x60K, it is recommended that you choose 40 features per microRNA for maximum sensitivity. Choosing fewer features may compromise sensitivity.</p>		
	Show Other Design Details: <input type="checkbox"/>		

Next >>

Cancel

※Design Formatとして8x60Kを選択した場合、「1つのmiRNAをターゲットとするFeature数は合計40に設定することを推奨する」旨のメッセージが赤字で表示されます。感度を損なっても多くのmiRNAを解析したい場合は、40より少ないFeature数でもカスタムアレイ作成は可能です。

※miRNAの場合、Spike-In RNAに対応しているプローブは自動的に搭載されます。

6. "Add"をクリックし、アレイに搭載するプローブグループを選択します。

① Search

②

Probe Group Name	Folder	Status
Demo	Yayoi	Incomplete
Demonstration	Agilent_Field	Incomplete

③ Add

④ Done

① プローブグループ名を入力し検索します

② 表示された結果から、該当するものを選択します。選択すると、背景が黄色に変化します

③ "Add>"をクリックします

④ 選択したプローブグループが右の欄に表示されたのを確認し、"Done"をクリックします

複数のプローブグループを指定する場合は、上記作業を繰り返します。

7. 1つのmiRNAをターゲットとするFeature数を選択します。

Features per microRNA [Info](#) : 16 **Agilent recommends that you choose 40 features per microRNA for maximum sensitivity. Choosing fewer features may compromise sensitivity.**

Fill Microarrays [Info](#) :

Enable Microarray Set [Info](#)

Probe Group to Fill Microarray : [Structural_FillerProbeGroup](#)

Feature Layout [Info](#) : Randomized

Microarray Statistics:			
Number of Microarrays per Slide:	8	Percentage Filled by Selected Probe Groups:	51.3783%
Number of Slides:	1	<u>Number of Available Features:</u>	<u>30620</u>
Total Number of Features:	62976	Number of User Controls:	0
Number of Agilent Controls:	2164	Number of microRNA Targets Covered:	1887
Total Percentage Filled:	51.3783 %		
Number of Distinct microRNA Targets Covered:	1887		
Number of Distinct microRNA Targets that can be covered by the remaining space:			1913

残りの搭載可能数は”Number of Available Features”で確認できます。

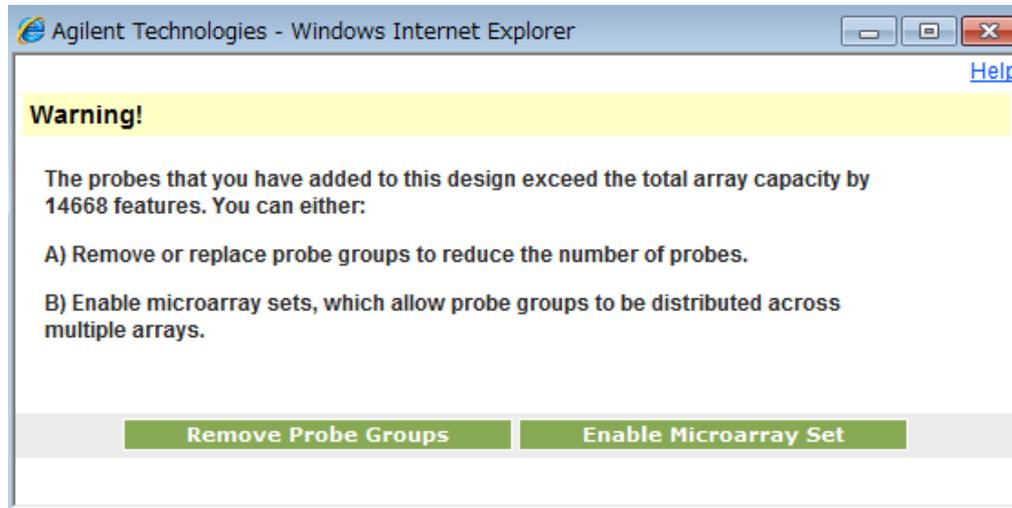
Enable Microarray set: 搭載可能数を超えた場合、複数アレイにまたがるデザインのセットとして設定できます(同スライドグラスに複数のアレイデザインを載せることはできません)。

全ての設定をした後Nextをクリックします

8. 合計Feature数が搭載可能数を超えた場合、“Percentage Filled by Selected Probe Groups”が100%を超えます。

Microarray Statistics:			
Number of Microarrays per Slide:	8	Percentage Filled by Selected Probe Groups:	123.29141 %
Number of Slides:	1	Number of Available Features:	0
Total Number of Features:	62976	Number of User Controls:	0
Number of Agilent Controls:	2164	Number of microRNA Targets Covered:	1887
Total Percentage Filled:	123.29141 %		
Number of Distinct microRNA Targets Covered:	1887		
Number of Distinct microRNA Targets that can be covered by the remaining space:			0

そのままNextをクリックすると出てくる画面で、「プローブグループを減らす」か「Microarray Setを作成する」かの選択をして下さい。



9. 作成するデザインのStatusを選び、“Save”をクリックします。

https://earray.chem.agilent.com - Agilent Technologies - Microsoft Internet Explorer

Create a Microarray Design from Existing ProbeGroup(s)

1. Select Species
2. Define Design
3. Layout Probes
4. Create ArrayDesign

How do you want to save and create your Design?

<input checked="" type="radio"/>	Draft	Saves the design, allowing only you to make changes to it before completing.	More
<input type="radio"/>	Review	Saves the design, enabling users in your Workgroup to make versions of the design before completing.	More
<input type="radio"/>	Complete	Saves the design, this design cannot be edited, nor can it be ordered.	More
<input type="radio"/>	Submit	Saves the design, this design cannot be edited, and is available for ordering <input type="checkbox"/> Design check list	More

Save Cancel

後ほどデザイン内容を変更する可能性がある場合は、“Draft”あるいは“Review”に、オーダーする前にデザイン内容を確認する場合は“Complete”、オーダーする場合は“Submit”を選択してください。

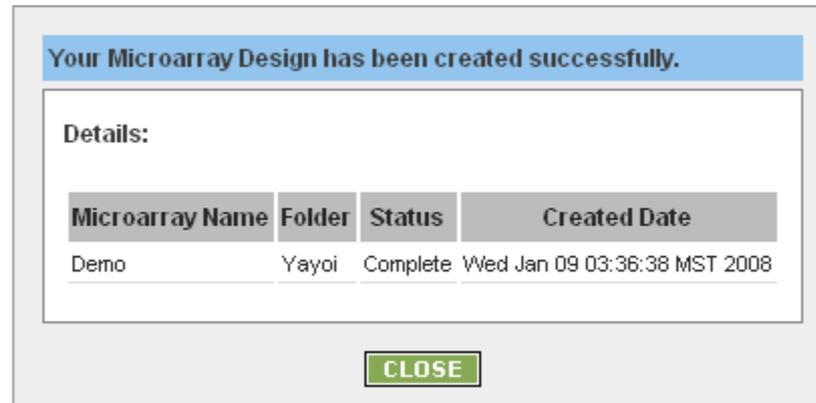
後からStatusを変えることができますが、CompleteやSubmitにした場合、ReviewやDraftに変更することはできません。**オーダーする前に、デザイン内容を確認してください。**

Draft/Review/Completeを選択した場合；”10.”に進んでください
Submitを選択した場合；”16.”に進んでください

10. "Submit"以外の場合は、下記画面が表示されます。

"Close"をクリックします。

前画面で"Submit"を選択した場合は、"アレイデザインのSubmit"をご参照ください。



作成されたアレイデザインは、5. で指定されたフォルダ内に自動で保存されます。
オーダーする前に、デザイン内容を確認してください。

11. "Microarray"タブから、"Search"あるいは"Browse ArrayDesign"で該当アレイを表示させます。Actions欄のリンクからデザインの確認を行います。

Design Format: Status:

Search Results: 1 matching results found

<input type="checkbox"/>	Microarray Name	Microarrayset name	Folder Name	Status	Design Number	Created Date	Actions
<input type="checkbox"/>	Demo		Yayoi	Complete	0XXXXX	09-Jan-2008	Copy View Delete Submit Download Change Control Type

View: 該当アレイデザインの内容を表示。

Edit: アレイデザインの変更(StatusがDraftあるいはReviewのみ、次ページ参照)。

Download: 該当アレイデザインのファイルをダウンロード(StatusをCompleteあるいはSubmitにした場合のみ、次々ページ参照)。

12. Actions欄の”Edit”をクリックすると下記画面が表示されます。
変更を加えた後、画面下方の”Save”をクリックします。

Microarray Name: ABC

Status: **Draft** (Draft, Review, Complete)

Folder: [Dropdown]

Species: [Dropdown]

Created By: Yajoi, Erikaoka

Design Format: 4 X 44K [Show Details]

Control Grid: IS-45220-4-V1_4x44K_GX_EQC_V20060608

Description: [Text Area]

Keywords: [Text Area]

Attachment: +/-

Comments: [Text Area]

Feature Layout Info: Randomized Ordered for Agilent Scanner

Select	Probe Group name	Control Type	Replicate	Evenly Distribute
<input type="checkbox"/>	013791_M_mulatta (Rhesus) Oligo Microarray_5	[Dropdown]	5	<input type="checkbox"/>
<input type="checkbox"/>	Human 1A Microarray (V2)	[Dropdown]	2	<input type="checkbox"/>

Enable MicroArray set:

Fill Microarrays:

Remove Add

DraftもしくはReviewの場合変更可能です

Statusの変更が可能です(CompleteやSubmitにした場合、ReviewやDraftに変更することはできません)。

* Collaboration spaceで上記操作をする場合は、別紙Collaboration spaceについての資料をご覧ください。

カスタムアレイデザインの確認(ファイル入手する場合)

13. StatusをCompleteかSubmitにした場合、Actions欄に表示される”Download”をクリックすると下記画面が表示されます。

“File write in progress”というメッセージが表示されたら、デザインファイルの作成中ですので、しばらく時間をおいて確認をしてください。

<input type="checkbox"/>	ALLANNOTATIONS	All Annotations
<input type="checkbox"/>	BED	BED
<input type="checkbox"/>	EXTERNALFULLGEML	GEML 1.0
<input type="checkbox"/>	EXTERNALFULLGEML2	GEML 2.0
<input type="checkbox"/>	FASTA	
<input type="checkbox"/>	GAL	
<input type="checkbox"/>	GENELIST	
<input type="checkbox"/>	GEO	GEO
<input type="checkbox"/>	IMAGENE	Image
<input type="checkbox"/>	SEQUENCELIST	List
<input type="checkbox"/>	TDT	TDT File

ダウンロードができない場合は、
Ctrlキーを押しながらダウンロードしてください。

Download If you have difficulty downloading the desired file, hold down the <Ctrl> key until a File Download dialog box appears. This bypasses pop-up blocking software.

BED: UCSCのGenome BrowserでカスタムトラックとしてインポートできるBedファイル

EXTERNALFULLGEML: Feature Extraction, CGH Analyticsにインポートできるデザインファイル

GAL: GenePixで使用できる形式のデザインファイル

SEQUENCELIST: プローブ配列のリスト

TDT: アレイ上のスポット位置情報を含んだ、タブ区切りのテキストファイル

適当なファイルをダウンロードし、デザイン内容がご希望通りかご確認ください。

14. アレイデザインが確定した場合は”Microarray”タブから、”Browse ArrayDesign”あるいは”Search”から該当アレイを表示させます。Actions欄の”Submit”をクリックします。

Design Format: Status:

Search Results: 1 matching results found

<input type="checkbox"/>	Microarray Name	Microarrayset name	Folder Name	Status	Design Number	Created Date	Actions
<input type="checkbox"/>	Demo		Yayoi	Complete	OXXXXX	09-Jan-2008	Copy View Delete Submit Download Change Control Type

15. 確認画面がでるのでコメントを入力し、”Design check list”をクリックします。

Warning : You are about to submit this Microarray Design. Once saved no changes can be made

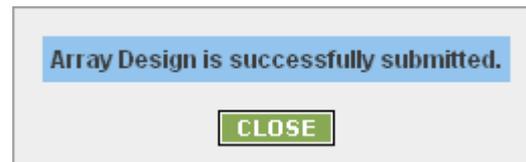
Please enter comments in the textarea:

Are you sure you want to continue ?

[Design check list](#)

16. チェックリストの全ての項目を確認しチェックを入れ、“Done”をクリックします。
“Design check list”横にチェックが入っている事を確認し、“Yes”をクリックします。

The screenshot shows a web interface for submitting a microarray design. On the left is a checklist titled "Did you:" with ten items, each preceded by an unchecked checkbox. A "Help" link is visible in the top right. On the right, a warning dialog box is open, titled "Warning : You are about to submit this Microarray Design. Once saved no changes can be made". It contains a text area with "ANY TEXT" and a "Design check list" checkbox which is checked. At the bottom of the dialog are "Yes" and "No" buttons. Below the checklist, there are several paragraphs of text explaining the submission process and the user's responsibility. At the bottom of the main form area are "Done" and "Cancel" buttons.



“Close”をクリックします。

17. "Microarray"タブから、"Browse ArrayDesign"あるいは"Search"で該当アレイを表示させます。

"Status"欄が"Submitted"になっていること、"Design Number"欄に0から始まる6桁の数字が表示されていることを確認してください。

Search Results: 1 matching results found

Share		Move						
<input type="checkbox"/>	Microarray Name	Microarrayset name	Folder Name	Status	Design Number			
<input type="checkbox"/>	Demo		Yayoi	Submitted	0XXXXX			
Share		Move						

また無事Submitされると、メールにてその旨をご連絡します。

 **Agilent Technologies**

You have submitted a design to manufacturing. However, an order needs to be placed for the synthesis to start. To place an order please use the request quote function on the eArray website. After doing so, you will receive a formal quote with further instructions to call in your PO number.

The details of the design are listed below:
 Array Set Name = Demo
 Design Number = 018940
 Slide Format = 8 X 15K
 Application = CGH
 Customer Design ID = NeAT_design
 Slide Layout = IS-15744-8-V1
 Submission Date = 09-Jan-2008 04:06

The details of the Customer are listed below.

StatusをSubmittedにしないと、オーダーができません。

Submitされたことを知らせるメールが到着した後、弊社営業所あるいは弊社製品取扱店にDesign Numberおよびスライド枚数をお伝えください。オーダーする前に、デザイン内容をご希望通りか確認してください。

*** デザイン途中で6ヶ月経ったもの、あるいはデザイン終了後6ヶ月間オーダーされなかったデザインは自動的にProbe Groupごと削除されますのでご注意ください。**