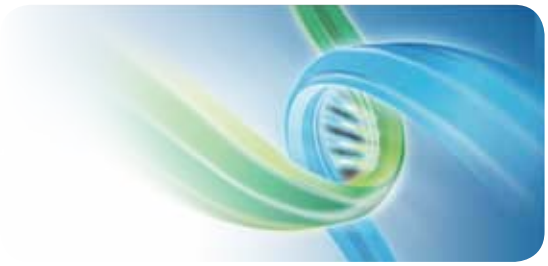
次世代シーケンスデータ解析
無償の解析ソフトウェア

SureCall



分子バーコード

分子バーコードを利用した
HaloPlex HS により、
不均一な細胞集団サンプルで
変異頻度解析の信頼性向上

Exome

SureSelect Human All Exon
キットを使った Exome 解析

CNV, LOH, 変異 , InDel

OneSeq
ONE ASSAY. ONE SOLUTION.

ゲノムワイド CNV 解析、
LOH 解析と変異解析・
InDel 解析を同時に

クリニカルリサーチシーケンス

疾患リサーチ向けパネル
ClearSeq シリーズを使った
クリニカルリサーチシーケンス

Somatic Mutation

Tumor/Normal のペア解析で
Somatic Mutation を検出

ターゲットシーケンス

数十 - 数百遺伝子の
カスタムパネルを使った
ターゲットシーケンス解析

トリオ解析

ClearSeq
FOCUS. PRECISION. RELEVANCE.

ClearSeq 遺伝性疾患
リサーチパネルを使った
トリオ解析

The Measure of Confidence

Agilent Technologies

SureCall

コマンドラインいらず！
簡単操作の無償 NGS 解析ソフトウェア

Q SureCall は何をするソフトウェアですか？

A アジレント・テクノロジーの SureSelect、HaloPlex、HaloPlex HS、OneSeq 製品を使った、ヒトゲノムの変異解析を簡単に行えるソフトウェアです。ご自身の PC にソフトウェアをインストールして使用します。

- **SureSelect Human All Exon** による エクソーム解析
- **HaloPlex HS** による 分子バーコードを利用した Deep Sequencing 解析
- **SureSelect、HaloPlex カスタムパネル**を利用した 疾患関連遺伝子パネル解析
- **OneSeq** を利用した ゲノムワイド CNV 解析、LOH 解析と変異解析の同時実施

SureSelect、HaloPlex、HaloPlex HS、OneSeq の詳細は別途カタログをご参照ください。

Q どのようなワークフローで、DNA サンプルから変異解析を行うのですか？

A ターゲットエンリッチメント実験を行い、次世代シーケンサで配列を決定したら、そのデータを SureCall に入力すれば、全自動で変異解析ができます。

Q SureCall ではどのような解析ができますか？

A Single Analysis、Pair Analysis、Trio Analysis、OneSeq CNV and Mutation Analysis ができます。キットの特性、解析の目的に合わせてデフォルトメソッドが搭載されているので、初めて使う時もすぐに解析を開始できます。ヒトゲノムのみに対応しています。

	内容	得られる結果
Single Sample Analysis	• 1 サンプルごとの解析	• SNPs と InDels
Pair Analysis	• Reference との比較によるコピー数変化の検出 • Tumor/Normal 比較による Somatic Mutation の検出	• SNPs と InDels • CNVs（1000 bp までのサイズ） • Somatic mutations
Trio Analysis	• トリオ解析による De novo mutation の検出	• SNPs と InDels • De novo mutations
OneSeq CNV and Mutation Analysis	• OneSeq によるゲノムワイド CNV、LOH 検出	• SNPs と InDels • CNV（ゲノムワイドで 300 kb、疾患関連領域で 25–50 kb の解像度） • LOH（5 Mb 以上）

Q 結果はどのように表示されますか？

A 検出した variant を、**Mutation Table** と **Genome Viewer** でわかりやすく表示します。

- **ゲノムのポジション情報、Ref 塩基と Alt 塩基**
- **コドンの変化、フレームシフトやアミノ酸置換などの影響**
- **検出されたアリル頻度**
- **SIFT、PolyPhen2 などの、アミノ酸置換の効果予測**
- **COSMIC データベースの情報**
- **変異の効果が大きい順のカテゴリー付け　etc.**

Mutation Table

Genome Viewer

Q レポートは作成できますか？

A PDF 形式の Variant レポートをはじめとして各種レポートを作成できます。

- **シーケンス結果の QC レポート**
- **Variant レポート**
- **カスタムレポート**
- **Mutation Table をエクセル形式や VCF ファイルとして出力**

Q どのようなスペックの PC が必要ですか？

A 下記スペックをみたし、インターネットに接続している必要があります。

- 64-bit Windows 7 Enterprise or Windows 7 Professional
- 3 Ghz、8-core 推奨（Min. >2 GHz processor）
- 8 GB RAM（Aligner なし）、16 GB RAM（Aligner あり、最小で 12 GB RAM）
- 500 GB（ゲノムレファレンス用に 50 GB、シーケンスデータ用に 450 GB）
- 1280 × 768 以上の解像度のスクリーン
- PDF ファイルを閲覧可能なソフトがインストールされていること

ご用意いただく PC 構成例

日本 HP ... ENVY 750-070jp
OS ..... Windows 7 Professional（64 bit）（Windows 8.1 Pro からのダウングレード権を利用）
CPU..... インテル Core i5-4590（3.30-3.70 GHz/4 コア）
RAM..... 16 GB（8 GB × 2）PC3-12800（1600 MHz）
Strage ..... 1 TB ハードドライブ（SATA、7200 rpm）

Q 日本語の説明書はありますか？

A はい、SureCall のインストールガイド、基本操作ガイドをいずれも日本語でご用意しております。http://AgilentGenomics.jp からダウンロードいただけます。

販売店

［お問い合わせ窓口］
アジレント・テクノロジー株式会社
本社 / 〒192-8510 東京都八王子市高倉町 9-1
●カストマコンタクトセンタ 0120-477-111
mail：email_japan@agilent.com

※仕様は予告なく変更する場合があります。
※本資料掲載の製品は全て研究用です。
その他の用途にご利用いただくことはできません。

http://AgilentGenomics.jp

© Agilent Technologies, Inc. 2015
本書の一部または全部を書面による事前の許可なしに複製、改変、翻訳することは、著作権法で認められている場合を除き、法律で禁止されています。

Printed in Japan, July. 1, 2015
5991-6037JAJP

Agilent Technologies